SEQUENCE LISTING

<110> El-Gewely, Mohamed Raafat
       El-Gewely, Mohamed Raafat
       Gardner, Rebecca

<120> Methods of screening molecular libraries and active molecules
       identified thereby

<130> MBHB-04-585 (59.68.75763/001)

<150> PCT/GB03/00291
<151> 2003-01-03

<160> 51

<170> PatentIn version 3.3

<210> 1
<211> 21
<212> PRT
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> secretion signal peptide

<220>
<221> UNSURE
<222> (1)..(21)
<223> secretion signal peptide

<400> 1

Met Glu Thr Asp Thr Leu Leu Leu Trp Val Leu Leu Leu Trp Val Pro
1   5   10   15

Gly Ser Thr Gly Asp
            20

<210> 2
<211> 49
<212> PRT
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> transmembrane domain

<220>
<221> UNSURE
<222> (1)..(49)
<223> transmembrane domain

<400> 2

1

```
Ala Val Gly Gln Asp Thr Gln Glu Val Ile Val Val Pro His Ser Leu
1               5                   10                  15


Pro Phe Lys Val Val Val Ile Ser Ala Ile Leu Ala Leu Val Val Leu
            20              25                  30


Thr Ile Ile Ser Leu Ile Ile Leu Ile Met Leu Trp Gln Lys Lys Pro
        35                  40                  45


Arg



<210>   3
<211>   5
<212>   PRT
<213>   Artificial Sequence

<220>
<223>   peptide derivative


<220>
<221>   VARIANT
<222>   (1)..(5)
<223>   peptide derivative

<400>   3

Met Gly Trp Cys Thr
1               5


<210>   4
<211>   190
<212>   DNA
<213>   Artificial Sequence

<220>
<223>   vector


<220>
<221>   misc_feature
<222>   (1)..(190)
<223>   vector

<220>
<221>   variation
<222>   (1)..(190)
<223>   n= A, C, G or T in equal molar ratio

<220>
```

```
<221>  variation
<222>  (1)..(190)
<223>  k= G or T in equal molar ratio

<400>  4
ttgacgcaaa tgggcggtag gcgtgtacgg tgggaggtct atataagcag agctcgttta       60

gtgaaccgtc agatctctag aagctgggta ccagctgcta gcaagcttgc tagcggccgc      120

tcgaggccgg caaggccgga tccagacatg ataagataca ttgatgagtt tggacaaacc      180

acaactagaa                                                             190


<210>  5
<211>  70
<212>  DNA
<213>  Artificial Sequence

<220>
<223>  vector


<220>
<221>  misc_feature
<222>  (1)..(70)
<223>  vector

<220>
<221>  variation
<222>  (1)..(70)
<223>  n= A, C, G or T in equal molar ratio

<220>
<221>  variation
<222>  (1)..(70)
<223>  k= G or T in equal molar ratio

<400>  5
aagagctcgg taccaagaag gagtttacat atgggannkn nknnktgata aggatccaag       60

cttgaattca                                                             70


<210>  6
<211>  23
<212>  DNA
<213>  Artificial Sequence

<220>
<223>  synthetic sequence


<220>
<221>  misc_feature
<222>  (1)..(23)
<223>  synthetic sequence
```

3

```
<400>  6
aagagctcgg taccaagaag gag                                              23


<210>  7
<211>  25
<212>  DNA
<213>  Artificial Sequence

<220>
<223>  synthetic sequence


<220>
<221>  misc_feature
<222>  (1)..(25)
<223>  synthetic sequence

<400>  7
ctgaattcaa gcttggatcc ttatc                                            25


<210>  8
<211>  20
<212>  DNA
<213>  Artificial Sequence

<220>
<223>  primer


<220>
<221>  misc_feature
<222>  (1)..(20)
<223>  primer

<400>  8
agagctcgtt tagtgaaccg                                                  20


<210>  9
<211>  20
<212>  DNA
<213>  Artificial Sequence

<220>
<223>  primer


<220>
<221>  misc_feature
<222>  (1)..(20)
<223>  primer

<400>  9
gtggtttgtc caaactcatc                                                  20
```

```
<210>  10
<211>  55
<212>  DNA
<213>  Artificial Sequence

<220>
<223>  library sequence


<220>

<221>  misc_feature
<222>  (1)..(55)
<223>  library sequence

<400>  10
ggtaccaaga aggagtttac atatgggatg gtgtacttga taaggatcca agctt          55


<210>  11
<211>  20
<212>  DNA
<213>  Artificial Sequence

<220>
<223>  primer


<220>
<221>  misc_feature
<222>  (1)..(20)
<223>  primer

<400>  11
ctacctcagg cagctcaagc                                                 20


<210>  12
<211>  20
<212>  DNA
<213>  Artificial Sequence

<220>
<223>  primer


<220>
<221>  misc_feature
<222>  (1)..(20)
<223>  primer

<400>  12
agacagcacc ctcatcatgc                                                 20
```

```
<210>  13
<211>  20
<212>  DNA
<213>  Artificial Sequence

<220>
<223>  primer


<220>
<221>  misc_feature
<222>  (1)..(20)
<223>  primer

<400>  13
tggtgctcat cttaatggcc                                                    20


<210>  14
<211>  20
<212>  DNA
<213>  Artificial Sequence

<220>
<223>  primer


<220>
<221>  misc_feature
<222>  (1)..(20)
<223>  primer

<400>  14
tgacaaaacc taacttgcgc                                                    20


<210>  15
<211>  26
<212>  DNA
<213>  Artificial Sequence

<220>
<223>  primer


<220>
<221>  misc_feature
<222>  (1)..(26)
<223>  primer

<400>  15
aagcagtggt aacaacgcag agtact                                             26


<210>  16
<211>  23
<212>  DNA
```

<213> Artificial Sequence

<220>
<223> primer

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(23)
<223> primer

<400> 16
aagcagtggt aacaacgcag agt   23

<210> 17
<211> 34
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> primer

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(34)
<223> primer

<400> 17
atctaagctt gaggcttcag cccgggaatt ccag   34

<210> 18
<211> 34
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> primer

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(34)
<223> primer

<400> 18
atctaccggt gccagcagtg gcgccgtcca acag   34

<210> 19
<211> 31
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>

<223> primer

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(31)
<223> primer

<400> 19
ataaacccgg gtcgccacca tggtgagcaa g   31

<210> 20
<211> 34
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> primer

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(34)
<223> primer

<400> 20
ataaatctag aacttgtaca gctcgtccat gccg   34

<210> 21
<211> 22
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> primer

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(22)
<223> primer

<400> 21
tcgtaaatca ctgcataatt cg   22

<210> 22
<211> 22
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> primer

```
<220>
<221>  misc_feature
<222>  (1)..(22)
<223>  primer

<400>  22
gtccataccc tttttacgtg aa                                              22


<210>  23
<211>  22
<212>  DNA
<213>  Artificial Sequence

<220>
<223>  primer


<220>
<221>  misc_feature
<222>  (1)..(22)
<223>  primer

<400>  23
gattagcgga tcctacctga cg                                              22


<210>  24
<211>  22
<212>  DNA
<213>  Artificial Sequence

<220>
<223>  primer


<220>
<221>  misc_feature
<222>  (1)..(22)
<223>  primer

<400>  24
gccaggcaaa ttctgtttta tc                                              22


<210>  25
<211>  24
<212>  DNA
<213>  Artificial Sequence

<220>
<223>  primer


<220>
<221>  misc_feature
<222>  (1)..(24)
```

<223> primer

<400> 25
tcaggtcggg aattatcgca ttat   24

<210> 26
<211> 24
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> primer

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(24)
<223> primer

<400> 26
tcgccgtaat ggctagtcac atcc   24

<210> 27
<211> 20
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> primer

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(20)
<223> primer

<400> 27
taatacgact cactataggg   20

<210> 28
<211> 17
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> primer

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(17)
<223> primer

<400> 28

```
attaaccctc actaaag                                                          17


<210>  29
<211>  24
<212>  DNA
<213>  Artificial Sequence

<220>
<223>  primer


<220>

<221>  misc_feature
<222>  (1)..(24)
<223>  primer

<400>  29
cgattacgcg tgaatctaac agcc                                                  24


<210>  30
<211>  24
<212>  DNA
<213>  Artificial Sequence

<220>
<223>  primer


<220>
<221>  misc_feature
<222>  (1)..(24)
<223>  primer

<400>  30
ggctgttaga ttcacgcgta atcg                                                  24


<210>  31
<211>  25
<212>  DNA
<213>  Artificial Sequence

<220>
<223>  primer


<220>
<221>  misc_feature
<222>  (1)..(25)
<223>  primer

<400>  31
cctgatgctg atgccagatg agcgc                                                 25
```

```
<210>   32
<211>   25
<212>   DNA
<213>   Artificial Sequence

<220>
<223>   primer


<220>
<221>   misc_feature
<222>   (1)..(25)
<223>   primer

<400>   32
gcgctcatct ggcatcagca tcagg                                            25


<210>   33
<211>   20
<212>   DNA
<213>   Artificial Sequence

<220>
<223>   primer


<220>
<221>   misc_feature
<222>   (1)..(20)
<223>   primer


<400>   33
gataatgtgc gcgtcgaata                                                  20


<210>   34
<211>   20
<212>   DNA
<213>   Artificial Sequence

<220>
<223>   primer


<220>
<221>   misc_feature
<222>   (1)..(20)
<223>   primer

<400>   34
tttgcggaaa cgcagatcgt                                                  20


<210>   35
```

```
<211>   20
<212>   DNA
<213>   Artificial Sequence

<220>
<223>   primer


<220>
<221>   misc_feature
<222>   (1)..(20)
<223>   primer

<400>   35
gtgtcgccct tattcccttt                                                      20


<210>   36
<211>   20
<212>   DNA
<213>   Artificial Sequence

<220>
<223>   primer


<220>
<221>   misc_feature
<222>   (1)..(20)
<223>   primer

<400>   36
ggcacctctc tcagcgatct                                                      20


<210>   37
<211>   20
<212>   DNA
<213>   Artificial Sequence

<220>
<223>   primer


<220>
<221>   misc_feature
<222>   (1)..(20)
<223>   primer

<400>   37
agcgaatacg tcttccgtca                                                      20


<210>   38
<211>   20
<212>   DNA
<213>   Artificial Sequence
```

```
<220>
<223>  primer


<220>
<221>  misc_feature
<222>  (1)..(20)
<223>  primer

<400>  38
gatggctggt ttccatcagt                                                    20


<210>  39
<211>  21
<212>  DNA
<213>  Artificial Sequence

<220>
<223>  library sequence


<220>
<221>  misc_feature
<222>  (1)..(21)
<223>  library sequence

<400>  39
atgggttttt ggaggtgata a                                                  21


<210>  40
<211>  5
<212>  PRT
<213>  Artificial Sequence

<220>
<223>  library sequence


<220>
<221>  UNSURE
<222>  (1)..(5)
<223>  library sequence

<400>  40

Met Gly Phe Leu Arg
1               5


<210>  41
<211>  5
<212>  PRT
<213>  Artificial Sequence
```

<220>
<223> library sequence

<220>
<221> UNSURE
<222> (1)..(5)
<223> library sequence

<400> 41

Met Gly Phe Trp Arg
1   5

<210> 42
<211> 71
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> primer

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(71)
<223> primer

<220>
<221> variation
<222> (1)..(71)
<223> N= A, T, G or C

<220>
<221> variation
<222> (1)..(71)
<223> K= G or T

<400> 42
aagagctcgg taccaagaag gagtttacat atgggannkn nknnktgata aggatccaag   60

cttgaattca g   71

<210> 43
<211> 23
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> primer

<220>

<221> misc_feature

```
<222>  (1)..(23)
<223>  primer

<400>  43
aagagctcgg taccaagaag gag                                              23


<210>  44
<211>  25
<212>  DNA
<213>  Artificial Sequence

<220>
<223>  primer


<220>
<221>  misc_feature
<222>  (1)..(25)
<223>  primer

<400>  44
ctgaattcaa gcttggatcc ttatc                                            25


<210>  45
<211>  20
<212>  DNA
<213>  Artificial Sequence

<220>
<223>  primer


<220>
<221>  misc_feature
<222>  (1)..(20)
<223>  primer

<400>  45
agagctcgtt tagtgaaccg                                                  20


<210>  46
<211>  20
<212>  DNA
<213>  Artificial Sequence

<220>
<223>  primer


<220>
<221>  misc_feature
<222>  (1)..(20)
<223>  primer
```

```
<400>  46
gtggtttgtc caaactcatc                                           20


<210>  47
<211>  23
<212>  DNA
<213>  Artificial Sequence

<220>
<223>  primer


<220>
<221>  misc_feature
<222>  (1)..(23)
<223>  primer


<400>  47
aagagctcgg taccaagaag gag                                       23


<210>  48
<211>  25
<212>  DNA
<213>  Artificial Sequence

<220>
<223>  primer


<220>
<221>  misc_feature
<222>  (1)..(25)
<223>  primer

<400>  48
ctgaattcaa gcttggatcc ttatc                                     25


<210>  49
<211>  25
<212>  DNA
<213>  Artificial Sequence

<220>
<223>  library sequence


<220>
<221>  misc_feature
<222>  (1)..(25)
<223>  library sequence

<400>  49
caagcttgct agcagctggt accca                                     25
```

```
<210>  50
<211>  84
<212>  DNA
<213>  Artificial Sequence

<220>
<223>  library sequence


<220>
<221>  misc_feature
<222>  (1)..(84)
<223>  library sequence

<400>  50
cctcgagctg ccgctagcaa gcttggatcc ttatcaagta caccatccca tatgtaaact       60

ccttcttggt acccagcttc taga                                             84


<210>  51
<211>  5
<212>  PRT
<213>  Artificial Sequence

<220>
<223>  peptide


<220>
<221>  PEPTIDE
<222>  (1)..(5)

<220>
<221>  VARIANT
<222>  (1)..(5)
<223>  X= G or M or V

<400>  51

Met Xaa Trp Cys Thr
1               5
```